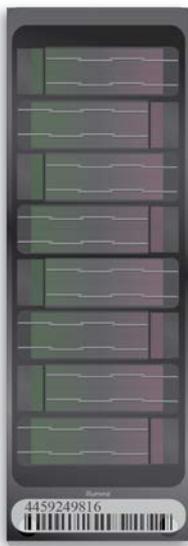


# Infinium™ Omni2.5-8 v1.5 BeadChip

Contenuto per il sequenziamento GWAS di nuova generazione per la genotipizzazione e l'analisi delle CNV.

## Descrizione generale

Infinium Omni2.5-8 v1.5 BeadChip fornisce la copertura completa per il contenuto di polimorfismi di singolo nucleotide (Single Nucleotide Polymorphism, SNP) comuni e rari da 1000 Genomes Project ed è progettato per fornire il maggior numero di informazioni per diverse popolazioni al mondo. Utilizzando il comprovato sistema iScan™, Infinium Omni2.5-8 v1.5 BeadChip a otto campioni (Figura 1) offre elevata processività ed è ottimizzato per il contenuto di tag SNP, incluso il supporto completo per le applicazioni per le varianti del numero di copie (Copy Number Variation, CNV) (Tabella 1). Infinium Omni2.5-8 v1.5 BeadChip è un efficace punto di partenza per Omni Roadmap, che fornisce ai ricercatori accesso flessibile e graduale a più di 2,3 milioni di varianti per campione. Grazie a una pratica confezione del kit, a un protocollo ottimizzato e privo di PCR e a software di analisi integrati è possibile ottenere una soluzione di analisi completa del DNA.



**Figura 1: Infinium Omni2.5-8 v1.5 BeadChip:** Infinium Omni2.5-8 v1.5 BeadChip supporta studi rapidi con la copertura di varianti comuni e rare dal progetto 1000 Genomes Project, fino al 2,5% della frequenza dell'allele minore (Minor Allele Frequency, MAF).

**Tabella 1: Informazioni sul prodotto**

Caratteristica	Descrizione		
Specie	Umana		
Numero totale di marker	circa 2.381.000		
Numero di campioni per BeadChip	8 campioni		
Requisito di input di DNA	200 ng		
Chimica del saggio	Infinium LCG		
Supporto strumento	Sistema iScan		
Prestazioni dei dati	Valore <sup>a</sup>	Specifica del prodotto <sup>b</sup>	
Percentuale di identificazione	99,8%	> 99% media	
Riproducibilità	99,99%	> 99,9%	
Deviazione log R	0,11	< 0,30 <sup>c</sup>	
Spaziatura			
Spaziatura (kb)	Media	Mediana	90% <sup>c</sup>
	1,23	0,65	2,82

- a. I valori derivano dalla genotipizzazione di 458 campioni di riferimento HapMap.
- b. Per i campioni femminili, esclude i marker del cromosoma Y.
- c. Valore previsto per progetti tipici usando protocolli standard Illumina. Sono esclusi i campioni tumorali e i campioni preparati con metodi diversi dai protocolli standard Illumina.

## Informazioni per gli ordini

Infinium Omni2.5-8 v1.5 Kit	N. di catalogo
16 campioni	20037363
48 campioni	20037364
96 campioni	20037365
384 campioni	20037366

## Maggiori informazioni

Per maggiori informazioni su Infinium Omni2.5-8 v1.5 BeadChip e altri prodotti e servizi di genotipizzazione Illumina, visitate la pagina Web [www.illumina.com/genotyping](http://www.illumina.com/genotyping).