

Leistungsparameter für das MiSeq-System

MiSeq-Reagenzien-Kit v2

Read-Länge	Gesamtdauer*	Leistung
1 × 36 bp	ca. 4 Stunden	540 bis 610 Mb
2 × 25 bp	ca. 5.5 Stunden	750 bis 850 Mb
2 × 150 bp	ca. 24 Stunden	4,5 bis 5,1 Gb
2 × 250 bp	ca. 39 Stunden	7,5 bis 8,5 Gb

Reads nach Filterung†

Einzelne Reads	12 bis 15 Mio.
Paired-End-Reads	24 bis 30 Mio.

Qualitäts-Scores††

> 90 % der Basen über Q30 bei 1 × 36 bp
> 90 % der Basen über Q30 bei 2 × 25 bp
> 80 % der Basen über Q30 bei 2 × 150 bp
> 75 % der Basen über Q30 bei 2 × 250 bp

MiSeq-Reagenzien-Kit v3

Read-Länge	Gesamtdauer*	Leistung
2 × 75 bp	ca. 21 Stunden	3,3 bis 3,8 Gb
2 × 300 bp	ca. 56 Stunden	13,2 bis 15 Gb

Reads nach Filterung†

Einzelne Reads	22 bis 25 Mio.
Paired-End-Reads	44 bis 50 Mio.

Qualitäts-Scores††

> 85 % der Basen über Q30 bei 2 × 75 bp
> 70 % der Basen über Q30 bei 2 × 300 bp

- * Die Gesamtzeiten umfassen Clusterbildung, Sequenzierung und Basecalling auf einem MiSeq-System mit der Fähigkeit, zwei Oberflächen zu scannen.
 - † Installationspezifikationen auf Basis der Illumina PhiX-Kontrollbibliothek bei unterstützten Clusterdichten zwischen 865–965 k/mm² Cluster nach Filterung für die v2-Chemie und 1.200–1.400 k/mm² Cluster nach Filterung für die v3-Chemie. Die aktuellen Leistungsparameter können je nach Probenotyp, Probenqualität und Cluster nach Filterung variieren.
 - †† Der Prozentsatz > Q30 ist der durchschnittliche Prozentsatz der Basen im gesamten Lauf.
- bp = Basenpaare, Mb = Megabasen, Gb = Gigabasen, M = Millionen

Bestellinformationen

Gerätename	Katalog-Nr.
MiSeq-System	SY-410-1003

Weitere Informationen

Weitere Informationen über die neueste technische Revolution bei der Desktop-Sequenzierung erhalten Sie unter: www.illumina.com/miseq

Quellen

- Junemann S, Sedlazeck FJ, Prior K, Albersmeier A, John U, Kalinowski J, et al. Updating benchtop sequencing performance comparison. *Nat Biotechnol.* 2013;31:294-296.
- Ross MG, Russ C, Costello M, Hollinger A, Lennon NJ, Hegarty R, et al. Characterizing and measuring bias in sequence data. *Gen Biol.* 2013;14:R51.
- Loman NJ, Misra RV, Dallman TJ, Constantinidou C, Gharbia SE, Wain J, et al. Performance comparison of benchtop high-throughput sequencing platforms. *Nat Biotechnol.* 2012;30:434-439.
- Quail MA, Smith M, Coupland P, Otto TD, Harris SR, Connor TR, et al. A tale of three next generation sequencing platforms: comparison of Ion Torrent, Pacific Biosciences and Illumina MiSeq sequencers. *BMC Genomics.* 2012;13:341.
- Liu L, Li Y, Li S, Hu N, He Y, Pong R, et al. Comparison of next-generation sequencing systems. *J Biomed Biotechnol.* 2012;2012:251364.

Maximierte Leistung und Produktivität mit Illumina Services, Schulung und Beratung

Ob Sie sofortige Hilfe bei einem Gerätelaufer oder eine umfassende Beratung für anspruchsvolle Workflows benötigen: Illumina hilft Ihnen gerne weiter. Die Service- und Supportteams von Illumina bieten eine umfassende Suite an sinnvollen, kundenspezifischen Lösungen von ersten Schulungen über Gerätesupport bis hin zur fortlaufenden NGS-Beratung. Unser Supportangebot umfasst:

Produktpflegeservices

- Gestaffelte Geräteservicepläne + Zusatzservices
- Gerätecompliance-Services
- On-Demand-Geräteservices

Illumina University-Schulung

- Von Kursleitern geführte Schulungen in der von Ihnen gewünschten Einrichtung
- Von Kursleitern geführte Schulungen im Illumina Schulungszentrum
- Online-Kurse und Webinare

Illumina Beratung

- Proof-of-Concept-Services für Geräte- und Bibliotheksvorbereitungstests
- Concierge-Services zur Designunterstützung und Produktoptimierung

Weitere Informationen zum Supportangebot von Illumina erhalten Sie auf: www.illumina.com/services/instrument-services-training.html

ILLUMINA • Tel. USA (gebührenfrei): 1.800.809.4566 • Tel.: +1.858.202.4566 • techsupport@illumina.com • www.illumina.com

Nur für Forschungszwecke. Nicht zur Verwendung in Diagnoseverfahren.

© 2015 Illumina, Inc. Alle Rechte vorbehalten. Illumina, BaseSpace, MiSeq, Nextera, TruSeq und die kürbisorange Farbe sind Marken oder eingetragene Marken von Illumina, Inc und/oder ihren Tochtergesellschaften in den USA und/oder anderen Ländern.
Pub.-Nr. 770-2011-001-DEU Stand: 17 Mai 2016



AATGATAACAGTAACACACTTCTGTTAACCTTAAGATTACTTGATCCACTGATTCAACGTACCGTAACGAACGTATCAATTGAGACTAAATATTAACGTACCATTAAAGAGCTACCGTGCAACGACGAAAAGAATGATAACAGTAACACACTTCTGTTAAC
AACGTACCGTAACGAACGTATCATTAAAGATTACTTGATCCACTGATTCAACGTACCGTAACGAACGTATCAATTGAGACTAAATATTAACGTACCATTAAAGAGCTACCGTGCAACGACGAAAAGAATGATAACAGTAACACACTTCTGTTAAC
ACGAAAAGAATGATAACAGTAACACACTTCTGTTAACCTTAAGATTACTTGATCCACTGATTCAACGTACCGTAACGAACGTATCAATTGAGACTAAATATTAACGTACCATTAAAGAGCT
CGTACCATTAAGAGCTACCGTGCAACAGTAACACACTTCTGTTAACCTTAAGATTACTTGATCCACTGATTCAACGTACCGTAACGAACGTATCAATTGAGACTAAATATTAACGTACCATTAAAGAGCTACCGTGCAACGACGAAAAGAATGA
AATGATAACAGTAACAGACTTCTGTTAACCTTAAGATTACTTGATCCACTGATTCAACGTACCGTAACGAACGTATCAATTGAGACTAAATATTAACGTACCATTAAAGAGCTACCGTGCAACGACGAAAAGAATGA
TTACTTGATCCACTGATTCAACGTTAAGATTACTTGATCCACTGATTCAACGTACCGTAACGAACGTATCAATTGAGCTTCTGTTAACCTTAAGATTACTTGATCCACTGATTCAACGTACCGTAACGAACGTATCAATTGAGACTAGCAACG
TATCAATTGAGACTAAATATTAACGTACCATTAAAGAGTCTGTTAACCTTAAGATTACTTGATCCACTGATTCAACGTACCGTAACGAACGTATCAATTGAGACTAAATATTAACGTACCATTAAAGAGCTACCGTGCAACGAAAAGAATGATAAC