

Illumina Connected Multiomics

강력하고 직관적이며 확장 가능한 멀티오믹스 분석

단백체 | 전사체 | 후성유전체 | 유전체 | 벌크 | 단일세포 | 공간



Illumina Connected Multiomics는 연구 규모에 맞는 생물학적 데이터의 탐구 및 분석을 지원하는 클라우드 기반의 소프트웨어입니다. 모든 연구자가 숙련도와 상관없이 인터랙티브 그래픽 사용자 인터페이스(GUI) 내에서 강력한 성능의 업계 표준 통계 분석 도구를 실행하여 복잡한 데이터를 분석할 수 있습니다. 강력한 분석력을 갖춘 플랫폼으로 간편하게 바로 논문에 실을 수 있는 수준의 시각화된 데이터를 확보해 보세요.



깊은 생물학적
통찰력 확보



직관적이고
간소한 분석



원활한 연구
규모 확대

"Connected" 워크플로우

Illumina Connected 생태계의 한 구성 요소인 Connected Multiomics는 빠른 속도와 높은 정확도를 갖춘 DRAGEN™ Secondary Analysis와 업계를 선도하는 규모의 통합된 pathway 분석을 위해 구축된 오믹스 지식베이스를 제공하는 Correlation Engine을 활용합니다. Illumina의 주요 멀티오믹스 assay를 위해 사전 구성된 맞춤화가 가능한 워크플로우를 통해 멀티오믹스 분석 절차를 간소화해 주는 엔드투엔드 솔루션을 경험해 보세요. 지원되는 데이터 타입은 Illumina 웹사이트에서 확인하실 수 있습니다.



인터랙티브 시각화 도구

방대하고 바로 논문에 실을 수 있는 수준의 시각화된 정보 제공



강력한 통계 분석 알고리즘

주요 특징 파악을 위한 뛰어난 통계 분석 기능 지원



데이터 통합 및 간소한 워크플로우

Assay부터 Insight까지, 원활한 멀티오믹스 워크플로우 구성



보안을 최우선으로 하는 인프라

업계 표준 보안, 프라이버시 및 규제 기준 준수

라이브러리 준비



단일세포, 단백질체, 공간 전사체 등의 분석에 필요한 라이브러리 준비

시퀀싱



Illumina 시퀀싱 플랫폼으로 라이브러리 시퀀싱

분석



2차 분석

DRAGEN으로 정확하고 효율적인 분석 실행

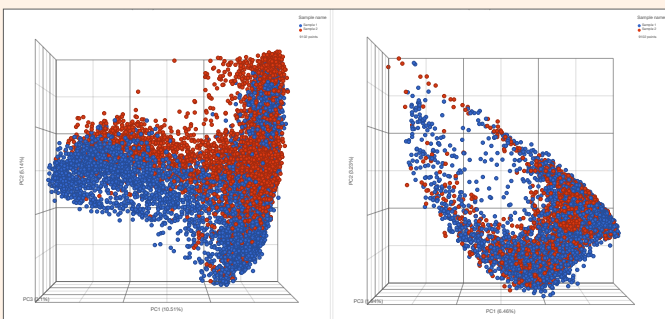
해석



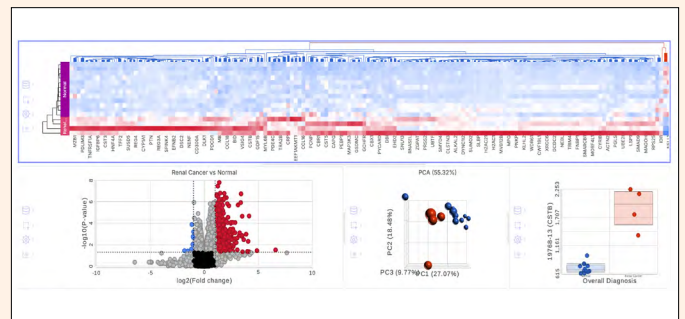
3차 분석

Illumina Connected Multiomics의 인터랙티브 시각화 도구, 강력한 통계 분석 도구 등을 활용해 멀티오믹스 데이터셋 탐구 및 분석

생동감 있고 심미성이 뛰어난 인터랙티브 데이터 시각화 도구



배치 효과 수정(Batch effect correction) 전과 후의 PCA로, 수정을 통해 배치 효과를 완화할 수 있음



시각화된 데이터를 동기화하여 여러 플롯에 걸쳐 특징을 하이라이트 가능

