

Servicio de diseño y evaluación del flujo de trabajo de Illumina

Colabore con expertos en los Centros de Soluciones de Illumina para evaluar la tecnología de Illumina

- Evalúe las plataformas de secuenciación y microarray de Illumina con muestras proporcionadas por los investigadores antes de la adquisición
- Aproveche la experiencia, los flujos de trabajo y los laboratorios de Illumina para evaluar las plataformas y soluciones de Illumina
- Acceda a los conjuntos de datos de secuenciación o de microarray de Illumina para fundamentar las decisiones de adquisición y acelerar su implantación



Introducción

Al diseñar un experimento de secuenciación de nueva generación (NGS, Next-Generation Sequencing) o de microarray, los investigadores se enfrentan a importantes decisiones relacionadas con la elección de la preparación de muestras, los sistemas de secuenciación y los métodos de análisis de datos. El Servicio de diseño y evaluación del flujo de trabajo de Illumina ayuda a resolver estas cuestiones proporcionando acceso a la gama de soluciones de Illumina para uso exclusivo en investigación (RUO, Research Use Only) y a los flujos de trabajo diseñados por expertos en las ubicaciones de los Centros de Soluciones de Illumina (Figura 1).

Colabore con los expertos de Illumina desde la muestra hasta la obtención de datos

El Servicio de diseño y evaluación del flujo de trabajo de Illumina comienza con una consulta para determinar la solución más adecuada desde la muestra hasta la obtención de datos en función de los objetivos específicos de la investigación. Los expertos de los Centros de Soluciones de Illumina trabajan en colaboración con los investigadores para definir

los parámetros experimentales, incluido el número de muestras, los controles necesarios, el protocolo de preparación de librerías y los resultados del análisis de datos, a fin de garantizar el mejor rendimiento para sus experimentos de NGS previstos (Figura 2).

Las muestras de ADN o ARN enviadas por los investigadores se someten primero a una evaluación de control de calidad (CC). A continuación, las muestras se procesan mediante el flujo de trabajo de NGS o de microarray seleccionado, con un CC adicional, según corresponda. Los datos generados mediante flujos de trabajo de NGS se pueden analizar con BaseSpace™ Sequence Hub, el entorno informático de genómica basado en la nube de Illumina. Para los flujos de trabajo de microarray, los datos generados se analizan y visualizan con el software GenomeStudio™. También pueden estar disponibles herramientas adicionales de análisis terciario y de generación de informes posteriores para algunos flujos de trabajo de NGS y de microarray.

Los investigadores también pueden acceder a consultas posteriores al servicio para revisar todo el flujo de trabajo desde la muestra hasta la respuesta y analizar los pasos para implantar con éxito estos flujos de trabajo en sus laboratorios. Todos los resultados, incluidos los datos generados y los informes de los análisis, se devuelven mediante BaseSpace Sequence Hub o en un disco duro externo.



Figura 1: La creciente red de centros de ubicaciones de Illumina Solutions Center en todo el mundo.



Figura 2: El proceso personalizado del Servicio de diseño y evaluación del flujo de trabajo de Illumina proporciona una rápida entrega de los datos para cualquier sistema o aplicación de secuenciación de Illumina.

Evalúe la tecnología de Illumina con muestras enviadas por investigadores

En vez de depender de datos de muestras de referencia comunes, el Servicio de diseño y evaluación del flujo de trabajo de Illumina genera datos a partir de las muestras proporcionadas por investigadores. También se pueden proporcionar librerías de ADN listas para la secuenciación preparadas con kits de preparación de librerías personalizados o de terceros para aquellos investigadores que estén interesados en evaluar plataformas de secuenciación específicas de Illumina. Tras el servicio, los investigadores pueden realizar una comparación más adecuada entre los datos generados a partir de los flujos de trabajo de NGS o microarray de Illumina y sus métodos actuales.

 Para iniciar una consulta, informarse sobre el Servicio de diseño y evaluación del flujo de trabajo de Illumina o confirmar la disponibilidad en su región, póngase en contacto con su comercial local de Illumina o con su Centro de Soluciones de Illumina (solutionscenter@illumina.com).

* Las muestras se limitan a ADN o ARN purificado y no infeccioso.



1 800 809 4566 (llamada gratuita, EE. UU.) | tel.: +1 858 202 4566
techsupport@illumina.com | www.illumina.com

© 2022 Illumina, Inc. Todos los derechos reservados. Todas las marcas comerciales pertenecen a Illumina, Inc. o a sus respectivos propietarios. Si desea consultar información específica sobre las marcas comerciales, consulte www.illumina.com/company/legal.html.
 M-GL-01272 ESP v1.0

Resumen

La determinación de un flujo de trabajo optimizado desde la muestra hasta la respuesta es fundamental durante la fase de implantación y puesta en marcha de la integración de una nueva tecnología de NGS o de microarray. Gracias al Servicio de diseño y evaluación del flujo de trabajo de Illumina, los investigadores pueden evaluar los flujos de trabajo usando sus propias muestras con el apoyo de expertos para acelerar el progreso hacia el éxito de la investigación genómica.

Datos para realizar pedidos

Producto	N.º de catálogo
NovaSeq™ 6000/X System Service	20016091
NextSeq™ 550/1000/2000 System Service	15067736
MiSeq™ System Service	15067735
MiniSeq™ System Service	20003924
iSeq™ 100 System Service	20023613
Microarray Service	20013962

La disponibilidad del servicio depende de la ubicación de Illumina Solutions Center.

Los precios del servicio se basan en una sola celda de flujo o en un solo experimento de microarray.

La cantidad máxima de muestras es de 12 cuando se requiere la preparación de muestras de forma interna; esto se debe consultar con Illumina Solutions Center para confirmar la magnitud del proyecto.

No hay una cantidad máxima de muestras si se proporcionan librerías listas para ser evaluadas en las plataformas de secuenciación de Illumina.