

Service d'évaluation et de conception du flux de travail d'Illumina

Collaborez avec des experts au sein des centres de solutions d'Illumina pour évaluer la technologie d'Illumina

- Évaluez les plateformes de séquençage et de puce à ADN d'Illumina à l'aide des échantillons fournis par les chercheurs avant d'effectuer l'achat
- Tirez profit de l'expertise, des flux de travail et des laboratoires d'Illumina pour évaluer les plateformes et les solutions d'Illumina
- Accédez aux ensembles de données de séquençage et de puce à ADN d'Illumina afin de prendre des décisions d'achat éclairées et d'accélérer la mise en œuvre



Introduction

Lorsqu'il s'agit de concevoir une expérience de séquençage de nouvelle génération (SNG) ou de puce à ADN, les chercheurs doivent prendre d'importantes décisions concernant le choix de la préparation d'échantillons, des systèmes de séquençage et des méthodes d'analyse des données. Le service d'évaluation et de conception du flux de travail d'Illumina facilite la prise de décisions en fournissant un accès au portefeuille de produits destinés à la recherche uniquement (RUO, Research Use Only) d'Illumina et aux flux de travail conçus par des experts au sein des centres de solutions d'Illumina (figure 1).

Collaboration avec les experts d'Illumina de l'échantillon aux données

Le service d'évaluation et de conception du flux de travail d'Illumina comprend tout d'abord une consultation pour déterminer la solution de transformation d'échantillons en données la plus appropriée en fonction d'objectifs de recherche spécifiques. Les experts des centres de solutions d'Illumina collaborent avec les chercheurs pour définir les paramètres expérimentaux, notamment le nombre d'échantillons, les contrôles

requis, le protocole de préparation de la librairie et les produits livrables associés aux analyses de données, afin de garantir les meilleures performances pour les expériences de SNG prévues (figure 2).

Les échantillons d'ADN ou d'ARN soumis par le chercheur font d'abord l'objet d'une évaluation de contrôle de la qualité (CQ). Les échantillons sont ensuite traités par l'entremise du flux de travail de SNG ou de puce à ADN choisi et subissent un nouveau CQ, le cas échéant. Les données générées à l'aide des flux de travail de SNG peuvent être analysées avec BaseSpace^{MC} Sequence Hub, l'environnement infonuagique de génomique d'Illumina. Pour les flux de travail de puce à ADN, les données générées sont analysées et affichées à l'aide du logiciel GenomeStudio^{MC}. Une analyse tertiaire supplémentaire et des outils d'établissement de rapport en aval sont disponibles pour certains flux de travail de SNG ou de puce à ADN.

Les chercheurs peuvent également bénéficier de consultations postservice pour examiner l'ensemble du flux de travail de transformation d'échantillons en réponses et discuter des étapes à suivre pour mettre en œuvre avec succès ces flux de travail au sein de leurs laboratoires. Tous les produits livrables, notamment les données et les rapports d'analyse générés, sont fournis par l'intermédiaire de BaseSpace Sequence Hub ou sur un disque dur externe.



Figure 1 : Le réseau grandissant de centres de solutions d'Illumina à l'échelle mondiale.

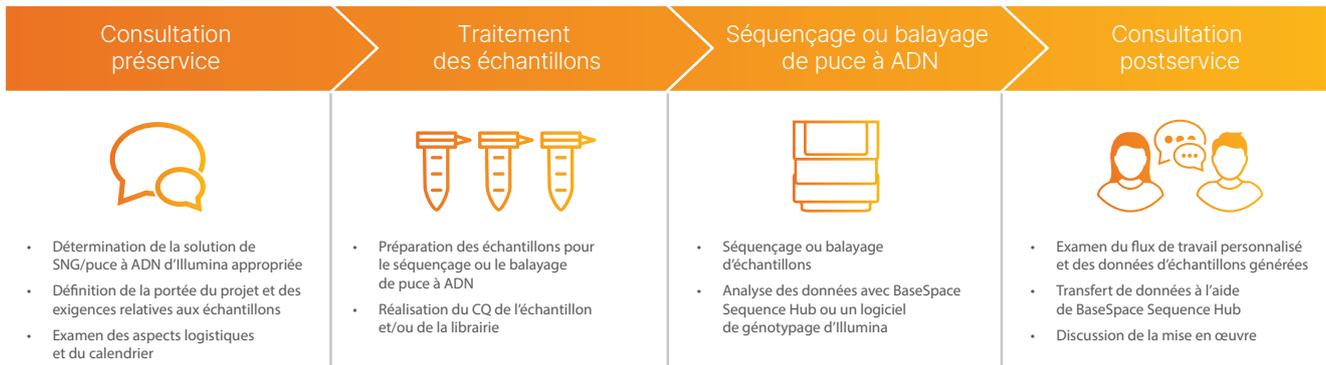


Figure 2 : Le processus simplifié du service d'évaluation et de conception du flux de travail d'Illumina permet d'obtenir rapidement des données pour tout système de séquençage ou toute application d'Illumina.

Évaluation de la technologie d'Illumina à l'aide d'échantillons soumis par le chercheur

Plutôt que de s'appuyer sur des données provenant d'échantillons de référence communs, le service d'évaluation et de conception du flux de travail d'Illumina génère des données à partir des échantillons fournis par les chercheurs. Des bibliothèques d'ADN prêtes au séquençage préparées à l'aide de trousseaux de préparation de bibliothèques personnalisées ou tierces peuvent également être fournies aux chercheurs souhaitant évaluer des plateformes de séquençage spécifiques d'Illumina. Grâce au service, les chercheurs peuvent effectuer une comparaison plus appropriée entre les données générées des flux de travail de SNG ou de puce à ADN d'Illumina et leurs méthodes actuelles.

i Pour commencer une consultation, demander des renseignements au sujet du service d'évaluation et de conception du flux de travail d'Illumina ou confirmer la disponibilité dans votre région, communiquez avec votre gestionnaire de compte Illumina local ou le centre de solutions d'Illumina (solutionscenter@illumina.com).

* Les échantillons sont limités aux échantillons d'ADN ou d'ARN purifiés et non infectieux.



Numéro sans frais aux États-Unis : + (1) 800 809 4566 |
 Téléphone : + (1) 858 202 4566
techsupport@illumina.com | www.illumina.com

© 2022 Illumina, Inc. Tous droits réservés. Toutes les marques de commerce sont la propriété d'Illumina, Inc. ou de leurs détenteurs respectifs. Pour obtenir des renseignements sur les marques de commerce, consultez la page www.illumina.com/company/legal.html.
 M-GL-01272 FRA v1.0

Résumé

L'établissement d'un flux de travail de transformation d'échantillons en réponses optimisé est essentiel au cours de la phase de mise en œuvre et de démarrage de l'intégration d'une nouvelle technologie de SNG ou de puce à ADN. Grâce au service d'évaluation et de conception du flux de travail d'Illumina, les chercheurs peuvent évaluer les flux de travail en utilisant leurs propres échantillons avec le soutien d'un expert pour accélérer la réussite des recherches en génomique.

Renseignements relatifs à la commande

Produit	N° de référence
NovaSeq ^{MC} 6000/X System Service	20016091
NextSeq ^{MC} 550/1000/2000 System Service	15067736
MiSeq ^{MC} System Service	15067735
MiniSeq ^{MC} System Service	20003924
iSeq ^{MC} 100 System Service	20023613
Microarray Service	20013962

La disponibilité du service dépend de votre centre de solutions Illumina. Le tarif du service est basé sur l'analyse d'une seule Flow Cell ou puce à ADN. Douze échantillons maximum lors d'une préparation d'échantillons en interne, communiquez avec le centre de solutions d'Illumina pour confirmer la portée du projet. Aucun maximum d'échantillons si des bibliothèques prêtes au séquençage sont fournies pour évaluation sur les plateformes de séquençage d'Illumina.