

# 重新定义可能性

因美纳测序系统

# 创新是驱动进步的引擎 我们与您同向同行

新一代测序技术（NGS）功能强大，拥有广阔的发展潜力、光明的前景和无限的可能性。借助新一代测序技术，即便是非常具有挑战性的目标也完全有可能实现。因美纳可以为您提供释放基因组力量所需的工具和创新技术。

在遗传疾病、生殖健康、肿瘤学、微生物学、农业等领域，研究人员和临床医生凭借因美纳测序系统提供的数据，以获得突破性的见解。

我们拥有一站式测序体系，可以根据您日益增长的测序需求提供合适的解决方案。



# 目录

- 4 测序系统一览
- 6 台式测序系统
- 10 大规模测序系统
- 12 用于体外诊断的测序系统
- 14 集成式信息学解决方案
- 17 出众的用户支持



# 解决方案丰富多样 为您答疑解惑

iSeq 100    MiniSeq    MiSeq    NextSeq 550    NextSeq 1000/2000    NovaSeq 6000    NovaSeq X/X Plus



- DNA
- RNA
- 表观遗传学
- 其他

\* 游离核酸测序包括非侵入性产前检测 (NIPT) 和液体活检。

† 染色质分析包括染色质转座酶可及性分析 (ATAC-Seq)、染色质免疫沉淀 (ChIP-Seq) 和染色质构象捕获 (Hi-C)。



从日常任务到极具挑战性的项目，因美纳丰富的产品组合能满足您的测序需求<sup>‡</sup>。

### 研究

从 iSeq™ 100 测序系统到 NextSeq™ 2000/2000-CN 测序系统，我们的台式测序系统均搭载了强大的因美纳 NGS 技术，为您提供灵活、易于操作的测序方案。

我们的大规模测序系统则适用于高通量、数据密集型应用。NovaSeq™ X 系列这一突破性的测序系统，以超高的通量和准确性为您的研究助力，探索更为广阔的测序领域。

### 诊断

MiSeq™ Dx<sup>§</sup> 和 NextSeq™ 550Dx<sup>§</sup> 测序仪可应用于体外诊断（IVD）应用，进行临床测试，有助于深入挖掘疾病信息，改善患者预后。

<sup>‡</sup> 通量和数据强度决定了系统推荐的方法和应用。

<sup>§</sup> 供体外诊断使用。部分国家或地区不适用。



# NGS 触手可及



iSeq 100 基因测序系统

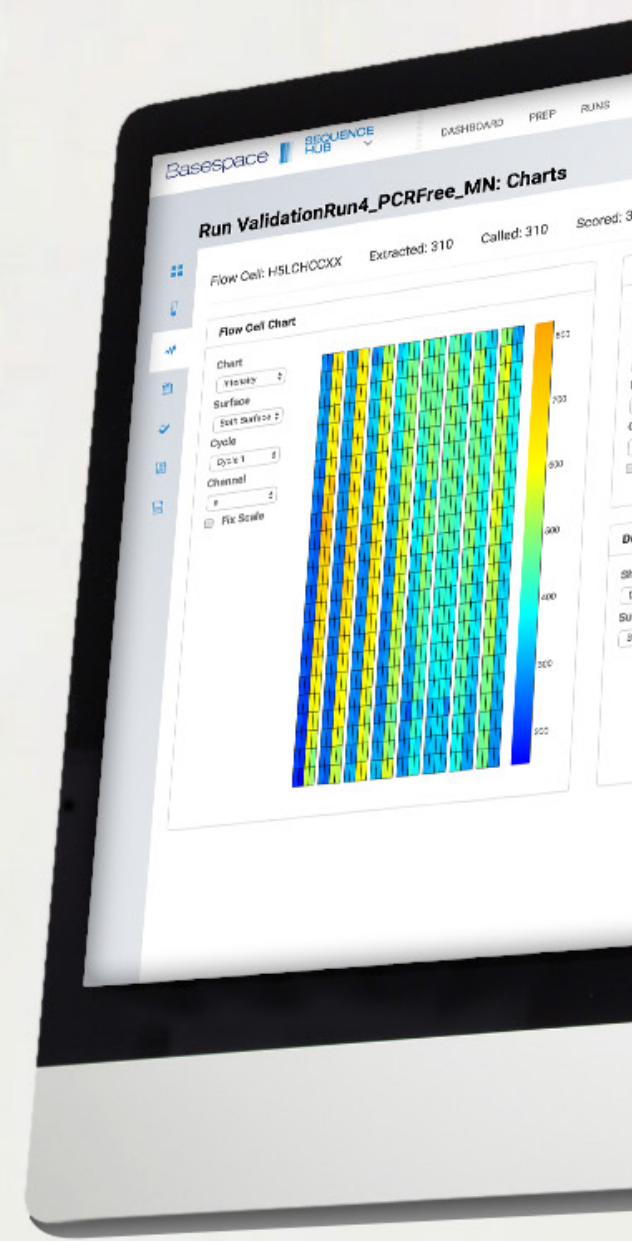


MiniSeq™ 基因测序系统



MiSeq 基因测序系统

流动槽	-	MiniSeq™ 基因测序系统			MiSeq 基因测序系统			
		中通量	快速	高通量	Nano	Micro	v2	v3
产出范围	144 Mb–1.2 Gb	2.1–2.4 Gb	2 Gb	1.65–7.5 Gb	300–500 Mb	1.2 Gb	750 Mb–8.5 Gb	3.8–15 Gb
每次运行的单端 read 数	4M	8M	20M	25M	1M	4M	15M	25M
运行时间	9-19 小时	17 小时	< 5 小时	7–24 小时	17-28 小时	19 小时	5.5-39 小时	21-56 小时
最大读长	2 × 150 bp	2 × 150 bp	1 × 100 bp	2 × 150 bp	2 × 250 bp	2 × 150 bp	2 × 250 bp	2 × 300 bp
机载数据分析软件	Local Run Manager	Local Run Manager			Local Run Manager			



# 台式测序系统

## 功能强大、灵活兼备

NextSeq 550 基因测序系统<sup>a</sup>

NextSeq 1000/1000-CN 和 NextSeq 2000/2000-CN 系列测序系统

流动槽	NextSeq 550 基因测序系统 <sup>a</sup>		NextSeq 1000/1000-CN 和 NextSeq 2000/2000-CN 系列测序系统			
	中流量	高通量	P1 <sup>b</sup>	P2 <sup>b</sup>	P3 <sup>c</sup>	P4 <sup>c</sup>
产出范围	16-39 Gb	25-120 Gb	10-60 Gb	40-240 Gb	120-360 Gb	80-540 Gb
每次运行的单端 read 数	130M	400M	100M	400M	1.2B	1.8B
运行时间	15-26 小时	11-29 小时	8-34 小时	12-42 小时	18-40 小时	12-44 小时
最大读长	2 × 150 bp	2 × 150 bp	2 × 300 bp	2 × 300 bp	2 × 150 bp	2 × 150 bp
机载数据分析软件	Local Run Manager		DRAGEN 二级分析			

a. NextSeq 550 测序系统包含芯片扫描功能，可用于细胞遗传学、甲基化和核型定位应用。

b. 所示为 NextSeq 1000/2000 XLEAP-SBS™ 试剂的规格。

c. 所示为 NextSeq 2000 XLEAP-SBS 试剂的规格。P3 和 P4 试剂仅适用于 2000/2000-CN 基因测序系统。



Completing at  
0832

NextSeq 2000

# 大规模测序系统 最大程度挖掘产量潜能



NovaSeq 6000 基因测序仪



NovaSeq X 基因测序仪



NovaSeq X Plus 基因测序仪

流动槽	SP	S1	S2	S4	1.5B	10B	25B	1.5B	10B	25B
每次运行处理的流动槽数量	1 或 2	1 或 2	1 或 2	1 或 2	1	1	1	1 或 2	1 或 2	1 或 2
产出范围	65–800 Gb	134 Gb–1 Tb	333 Gb–2.5 Tb	280 Gb–6 Tb	165–500 Gb	1–3 Tb	8 Tb	165 Gb–1 Tb	1–6 Tb	8–16 Tb
每个流动槽的单端 read 数	800M	1.6B	4.1B	10B	1.6B	10B	26B	1.6B	10B	26B
运行时间	13–38 小时	13–25 小时	16–36 小时	< 44 小时	17–23 小时	18–25 小时	约 48 小时	17–23 小时	18–25 小时	约 48 小时
最大读长	2 × 250 bp	2 × 150 bp	2 × 150 bp	2 × 150 bp	2 × 150 bp	2 × 150 bp	2 × 150 bp	2 × 150 bp	2 × 150 bp	2 × 150 bp
机载数据分析软件	—				DRAGEN 二级分析					



# 更多临床选择 更有意义的洞察



MiSeqDx 测序仪<sup>a</sup>



NextSeq 550Dx 测序仪<sup>a</sup>

	MiSeqDx v3 (300 循环)	研究模式下的性能 <sup>a</sup>	NextSeq 550Dx High Output v2.5 (300 循环)	NextSeq 550Dx High Output v2.5 (75 循环)	研究模式下的性能 <sup>a</sup>
每次运行处理的流动槽数量	1	1	1	1	1
产出范围	≥ 5 Gb	300 Mb–15 Gb	≥ 90 Gb	≥ 22.5 Gb	16–120 Gb
每个流动槽的单端 read 数	≥ 15M	25M	≥ 300M	400M	400M
运行时间	24 小时	5.5–56 小时	< 35 小时	< 11 小时	11–29 小时
最大读长	2 × 150 bp	2 × 300 bp <sup>b</sup>	2 × 150 bp	1 × 75 bp	2 × 150 bp
机载数据分析软件	Local Run Manager		Local Run Manager		

a. 在研究 (RUO) 模式下, MiSeqDx 和 NextSeq 550Dx 测序仪的性能指标分别与 MiSeq 和 NextSeq 550 测序系统相同。

b. 请参阅包装说明书, 了解与不同分析相关的规格参数。



NextSeq<sup>®</sup> 550Dx



illumina<sup>®</sup>



完整信息学解决方案

# 从数据到洞察： 进一步释放基因组学 的力量

因美纳测序系统迅速高效，我们还提供一体化的软件解决方案，助您突破生物信息学瓶颈，简化基因组学工作流程。无论您的项目是才刚起步，还是处于规模快速扩增的阶段，因美纳互联软件\*\*能帮助您在肿瘤学、罕见病和传染病等应用中释放数据的力量。

因美纳测序系统可提供机载与单独配置的分析软件，可为基因组和临床研究人员提供从初级分析到三级分析的各种支持，优化实验室和样本管理\*，并准确检测基因变异。因美纳互联软件兼顾易用性与定制性，可为单个样本或群体研究提供洞察。

因美纳可提供本地及云端两种解决方案，满足您的各种数据分析需求。我们致力于不懈创新，创造新的生物信息学技术，让更多人获益于基因组学。

\*\* 了解有关因美纳互联软件的更多信息：[illumina.com/products/by-type/informatics-products.html](https://illumina.com/products/by-type/informatics-products.html)

\* 因美纳仅在各国法律允许的条件下进行相关工作。



### 久经考验的准确性

高度准确的边合成边测序 (SBS) 化学技术配合 DRAGEN™ 二级分析，能够实现可靠的生殖系变异和体细胞变异检出，其准确性曾获得 FDA 真相挑战赛认可<sup>††</sup>。借助仪器中提供的机载 DRAGEN 分析，用户能够实现准确、全面且高效的 NGS 分析，同时节省大量成本。

### 高标准的数据\*隐私

我们以安全和合规为核心构建软件产品，满足最严格的数据安全性要求。数据共享安全和管理、加密审计追踪以及受控共享的功能可合力保障数据安全。

### 值得信赖的技术合作伙伴

因美纳信息学服务团队汇集众多生物信息学家、数据科学家和设计师，共同帮助您执行分析工作流程的自定义和优化，致力于助您成功，并尽可能减轻您的开发负担。

<sup>††</sup> PrecisionFDA Truth Challenge V2. [precision.fda.gov/challenges/10](https://precision.fda.gov/challenges/10).

\* 因美纳仅在各国法律允许的条件下进行相关工作。









# 我们的支持，永不止步

对于因美纳来说，创新并不局限于开发出色的测序系统。我们的热情将延伸至您的整个用户体验。我们将在您的 NGS 之旅上，为您实现目标的每一步提供支持。

---

## 第 1 步：让我们为您找到合适的解决方案

基于您实验室现有和未来的潜在需求，我们可以帮助您确定合适的测序系统，并通过“面对面”培训和在线工具将帮助您了解如何全面拓展您的研究。

## 第 2 步：产品设置与流程建议

从文库制备到信息学分析，我们将帮助您实现卓越运营，通过优化工作流程，帮助您更经济高效地运营实验室。

## 第 3 步：维护与支持

作为一家拥有 25 年经验的全球性公司，我们将帮助您开启实验室中的基因测序研究，并协助您确保基因测序工作顺利进行。我们拥有成熟的基础设施、经验丰富的团队和深厚的专业知识，为您提供始终如一的优质服务。

# 我们始终与您相伴， 以基因的力量创造更好的世界

因美纳致力于成为您的理想合作伙伴，为您提供突破性的基因组学创新和优质的用户体验，让您享受卓越的客户服务。我们的业务遍布全球，能够为您提供取得成功所需的支持。无论您身在何处，我们都为您提供技术专家、资源和解决方案，大大提升您的研究发现能力。

我们的目标是应用新兴技术来分析遗传变异和功能，实现以前难以实现的研究。

这正是因美纳的力量所在，也是您的力量所在。







一次次创新成就了今天的  
基因组时代。

我们对下一步前往何方  
充满期待。

illumina®

我们随时为您解答问题，提供信息和咨询服务。请访问我们的网站：[www.illumina.com.cn](http://www.illumina.com.cn)。

#### 因美纳中国

上海办公室 • 电话 (021) 6032-1066 • 传真 (021) 6090-6279

北京办公室 • 电话 (010) 8441-6900 • 传真 (010) 8455-4855

技术支持热线 400-066-5835 • [chinasupport@illumina.com](mailto:chinasupport@illumina.com)

市场销售热线 400-066-5875 • [china\\_info@illumina.com](mailto:china_info@illumina.com) • [www.illumina.com.cn](http://www.illumina.com.cn)

© 2024 Illumina, Inc. 保留所有权利。所有商标均为因美纳公司或其各自所有者的财产。

关于具体的商标信息，请访问 [www.illumina.com.cn/company/legal.html](http://www.illumina.com.cn/company/legal.html)。



因美纳



因美纳讲堂